

用以偵測肺癌發生的方法及套組

本院覽號

公告日期

智財權狀態

06A-1071105

台灣(發明)I 607091已獲證、美國US 10,155,993 B2已獲證

摘要

本揭示內容是關於一種以一個體之生物檢體來評估該個體是否罹患肺癌或是否有發生肺癌風險的方法。rs193100333之SNP基因座會導致YAP1蛋白突變，在該突變中蛋白位置331的精胺酸會取代為色胺酸；當該個體體內出現rs193100333之SNP基因座代表該個體罹患肺癌或有發生肺癌的風險。因此，本揭示內容亦是關於一種用以測定rs193100333之SNP基因座的套組。

技術優勢

目前利用基因體鑑定及/或蛋白表現來評估肺癌發生風險的方法多數缺乏準確性及有效性。本技術為準確且有效的方法，據以評估一個體否罹患肺癌或是否有發生肺癌之風險。

應用範圍

- 癌症預防
- 篩檢肺癌高危險族群

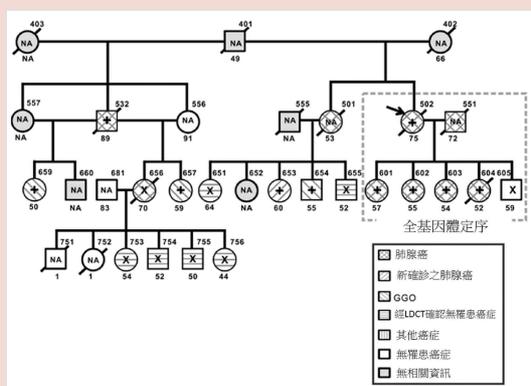


圖1.原發病家族(original family)的族譜。

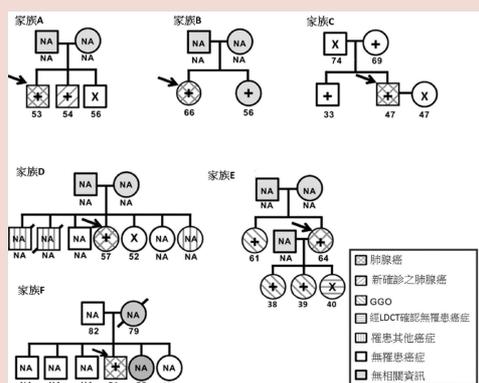


圖2.則為驗證族群(validation cohort)的族譜；箭頭標示為指標個案(proband)，以形狀符號標示性別，方形代表男性，而圓形代表女性；形狀符號內的+、x及NA分別代表YAP1R331W帶因者(carrier)、非帶因者及DNA無法取得者；以斜線劃過之形狀符號表示該個體已死亡；位於形狀符號下方的數字代表該個體之年齡。

創作人

李克昭、陳璿宇、楊泮池、俞松良何炳慶、張基晟



中央研究院
ACADEMIA SINICA