

# 用於檢測或診斷心肌梗塞之方法與生物標誌物

## 本院覽號

12A-1091225

## 公告日期

## 智財權狀態

台灣(發明)已申請、美國臨時案已申請、美國已申請

## 摘要

ST節段升高之心肌梗塞的診斷通常會佐以心肌肌鈣蛋白-I(cTnI)與MB型的磷酸肌酸激酶(CK-MB)等血清標記來判定，然而測量血清標記需要侵入性的醫療行為。本研究利用全基因組序列分析技術與即時聚合酶連鎖反應分析正常受試者與患者之糞便檢體，發現ST節段升高之心肌梗塞患者之糞便檢體具有高量的唾液鏈球菌(*Streptococcus salivarius*)與副血鏈球菌(*Streptococcus parasanguinis*)。該發現可被用於發展非侵入性的檢驗方式與標記，將能成為心肌梗塞診斷與治療醫學之新領域。

## 技術優勢

- 不具侵略性
- 可用以識別心肌梗塞後心功能之差異

## 應用範圍

- 發展ST節段升高之心肌梗塞之偵測
- 發展分別心肌梗塞後心臟功能差異之偵測
- 心肌梗塞之早期診斷、預後、復發及鑑別

## 創作人

謝清河



中央研究院  
ACADEMIA SINICA