

早期乳癌之蛋白體分群方法

本院覽號

03A-1121016

公告日期

2024-07-15

智財權狀態

know-how

摘要

在東亞，年輕化和管腔(Luminal)亞型乳癌的發病率正在迅速攀升。年輕乳癌患者預後較差，病人之間高度的異質性及不同亞型的病因學、分子機制與治療結果皆對現今的精準醫學帶來了挑戰，傳統的標準醫療流程建議年輕女性乳腺癌更強的化療，但迄今管腔亞型仍沒有有效用藥指引。為了解決臨床未滿足需求，我們建構了一個深度蛋白質體與磷酸化蛋白質體分析流程，提供獨特的分子分群，解析管腔亞型乳癌的異質性、區分出早期乳癌高風險復發亞型及其癌化之特徵訊息傳遞路徑，並鑑定出此亞型的預測生物標誌物及建議潛在標靶治療。目前尚無相關商業競品可解析此管腔亞型乳癌病人之特異性，此方法將可發展高風險管腔亞型乳癌檢測工具，應用於早期乳癌的精準診斷與個人化用藥決策建議。

創作人

陳玉如、俞松良、俞志誠、盧彥伸

技術優勢

- 我們的蛋白質體及磷酸化蛋白質體分析技術具高靈敏度和基因體匹配的深度，超越美國登月計畫制定標準(>10,000個蛋白質)，全面解析乳癌癌化訊息路徑。
- 蛋白質體分群技術提供新的分子亞型分群，篩選出早期復發乳癌病人，為臨床分期無法判斷的新方法。並提供早期篩檢與用藥指引之候選標記。
- 目前尚無相關商業競品可解析此管腔亞型乳癌之特異性。

應用範圍

- 蛋白質標記套組應用範圍：
 1. 乳癌早期診斷。：
 2. 乳癌高風險復發風險評估。：
 3. 乳癌個人化用藥指引。：
- 檢測方式:免疫組織化學染色法 (IHC)、蛋白質譜或酵素連結免疫吸附分析法(ELISA)
- 產品商業開發: 免疫組織染色套組、免疫分析套組、質譜檢測。
- 檢體種類: 腫瘤組織、或體液類檢體(血液)。
- 使用者: 臨床醫師、醫院、檢驗所



中央研究院
ACADEMIA SINICA