快速生產天然蛋白質之小泛素融合蛋白質系統

本院覽號

公告日期

11A-970410

摘要

蛋白質是大多數基因表現的終產物,生物體內進行反應 也多以蛋白質為主,所以要了解生命的奧秘,必須要對 蛋白質有深入地了解。此外,臨床用藥物也是透過與蛋 白質結合,來達到治療的目的,因此蛋白質研究對明瞭 藥物的活性與新藥的開發極為重要。臨床用的蛋白質藥 或製劑的基本要求之一,就是其氨基酸序列與組成必須 與天然蛋白質(native protein)完全相同,否則就得大費周 章地提出生理與病理研究數據,證明多出來的氨基酸或 序列不全的蛋白質對人體無害,也不會發生免疫排斥等 問題。基於以上考量,我們改良了現有以小泛素(SUMO) 作為攜帶蛋白(Carrier)的融合蛋白(Fusion Protein)技 術,發展出一套快速生產天然蛋白質的新方法。此方法 的原理係將N-端攜有六聚 氨酸的小泛素(His6-SUMO)的 基因與標的蛋白(target protein)的基因,以基因重組技術 結合為一,表達出「六聚 氨酸-小泛素+標的蛋白」前後 接合的融合蛋白。融合蛋白因小泛素的加持輔助,表現 量與水溶性都可增加。然後再利用Ulp1小泛素水解脢 (SUMO protease)將六聚 氨酸-小泛素自融合蛋白準確地 切除,從而產生標的蛋白,而後者的氨基酸序列與天然 蛋白質完全相同。

智財權狀態

美國臨時案已申請、台灣(發明)已申請、美國8,034,910已獲證

技術優勢

應用非平整端點聚合脢連鎖反應(Sticky-End PCR)的方發,可將標的蛋白基因製出5' Sfol 平整端 (blund end) 與3'Xhol 之非平整端點 (sticky end),再以此固定方向,置入有六聚 氨酸-小泛素的載體(vector),然後此載體即能用來生產上述的融合蛋白。此方法適用於所有的標的基因,且不受限於標的基因是否有Sfol或Xhol限制脢切位(Restriction site)。 新改良的Ulp1小泛素水解脢的N-端與C-端都有六聚 氨酸,此水解脢對鎳離子樹脂(Ni2+ resin)有非常高的親和性。 先利用鎳離子樹脂純化融合蛋白,然後將與鎳離子樹脂結合的融合蛋白,直接與改良的Ulp1小泛素水解脢混合進行切除反應,反應完成後只有標的蛋白會自鎳離子樹脂釋出,反之新改良的Ulp1小泛素水解脢與六聚 氨酸-小泛素(His6-SUMO)則仍與鎳離子樹脂結合。

應用範圍

可快速表達與純化氨基酸序列與天然蛋白質完全相同之 重組蛋白質,產品可應用於蛋白質藥、疫苗、檢驗試劑 或篩選以該蛋白質為標地之新藥。

創作人

王廷方

