

多體學數據分析模組

本院覽號

公告日期

智財權狀態

06T-1090410

2020-12-06

know-how

摘要

本研究發展出之多體學數據分析模組，包含次世代定序數據品質控制、reference mapping、突變位點估計、以及轉錄體基因表達量估計等，能提供後續開發疾病早期偵測方法與藥物標的使用，解決精準醫學中未滿足之臨床需求。

技術優勢

1. 包含從原始數據到基因突變的分析模組。
2. 包含從原始數據到基因基因表達估計的分析模組。

應用範圍

1. 提供開發疾病早期偵測方法。
2. 提供開發疾病新藥開發方法。

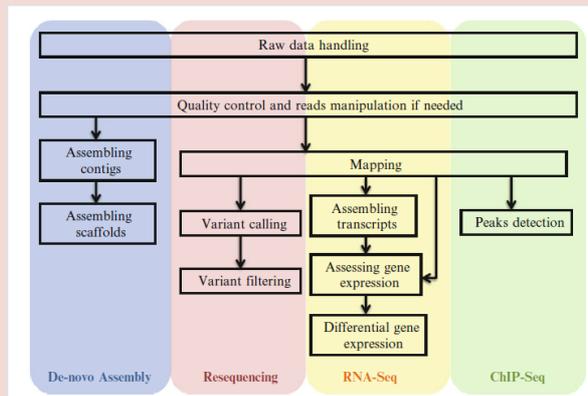


圖1.分析模組涵蓋DNA和RNA定序數據

Flowchart for RNAseq data analysis

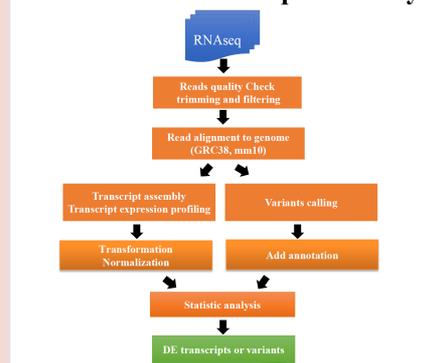


圖2.RNA定序數據分析流程

創作人

陳璿宇、張雅暄



中央研究院
ACADEMIA SINICA